



Implication du rs1801133 du MTHFR dans le risque de leucémie aigue lymphoblastique : à propos d'une expérience tunisienne

Rim Frikha

Service de Génétique Médicale, CHU Hedi Chaker Sfax-Tunisie

Introduction

Les progrès actuels dans la leucémogénèse ont contribué efficacement à la compréhension des mécanismes physiopathologiques de la leucémie aiguë lymphoblastique (LAL) ainsi que l'identification de marqueur potentiel de susceptibilité.

Les polymorphismes dans les gènes liés au folate, tel que le MTHFR ; sont étroitement liés au développement du cancer.

Objectifs

Dans ce travail, on s'est focalisé à prospecter, par une étude cas-témoins, l'implication du variant rs1801133 du MTHFR dans la susceptibilité à la LAL chez une population tunisienne.

Méthodes

Cette étude a été menée chez 28 patients avec LAL et 35 contrôles. Le génotypage a été procédé par une PCR-RFLP en utilisant l'enzyme HinfI.

Résultats

Les résultats moléculaires ont montré une fréquence allélique du variant C677T significativement élevée chez les patients (14.3%; $p=0.02$).

Discussion

- A ma connaissance c'est la première étude d'association entre LAL et variant du MTHFR en Tunisie.
- Nos résultats suggèrent que le rs1801133 du MTHFR est un marqueur potentiel de LAL chez la population tunisienne. Par conséquent, des mesures préventives nutritionnelles (supplémentation en folate) sont recommandées.